Табела 5.2. Спецификација предмета

Спецификацију треба дати за сваки предмет из студијског програма.

<table>
<tr><td colspan="4">Студијски програм: СПЕЦИЈАЛИСТИЧКЕ АКАДЕМСКЕ СТУДИЈЕ</td></tr>
<tr><td colspan="4">Назив предмета: Молекуларна бактериологија</td></tr>
<tr><td colspan="4">Наставник/наставници: Ина Гајић, доцент и Ирена Аранђеловић, доцент</td></tr>
<tr><td colspan="4">Статус предмета: Изборни предмет</td></tr>
<tr><td colspan="4">Број ЕСПБ: 5</td></tr>
<tr><td colspan="4">Услов: Завршен/оверен први семестар наставе</td></tr>
<tr><td colspan="4">Циљ предмета
Упознати студенте са молекуларним диверзитетом бактерија значајних у хуманој медицини, као и са принципима и извођењем молекуларних техника за детекцију и секвенцирање генских секвенци као основе савременог приступа у детекцији, контроли, превенцији и надзору бактеријских узрочника хуманих инфекција.</td></tr>
<tr><td colspan="4">Исход предмета
Стицање знања о молекуларном диверзитету бактерија значајних у хуманој медицини, осамостаљивање студената у извођењу и интерпретацији молекуларних тестова за дијагностику туберкулозе, инфекција изазваних родовима Streptococcus, Staphylococcus и Chlamydia, врстама Helicobacter pylori и Clostridioides difficile и групом Грам негативних неферментативних бацила.</td></tr>
<tr><td colspan="4">Садржај предмета
Теоријска настава: увод у генетику бактерија, хетерогеност бактеријске популације, методе генотипизације, филогенетске анализе бактерија, молекуларна епидемиологија болничких и ванболничких бактеријских инфекција.

Практична настава: молекуларна дијагностика туберкулозе, инфекција изазваних родовима Streptococcus, Staphylococcus и Chlamydia, врстама Helicobacter pylori и Clostridioides difficile и групом Грам негативних неферментативних бацила.</td></tr>
<tr><td colspan="4">Литература
1. Didelot X, Walker AS, Peto TE, Crook DW, Wilson DJ. Within-host evolution of bacterial pathogens. Nat Rev Microbiol 2016;14:150-62.
2. Land M, Hauser L, Jun SR, Nookaew I, Leuze MR, Ahn TH, et al. Insights from 20 years of bacterial genome sequencing. Funct Integr Genomics 2015;15:141-61.
3. Quainoo S, Coolen J, van Hijum S, Huynen MA, Melchers W, van Schalk W. et al. Whole-genome sequencing of bacterial pathogens: the future of nosocomial outbreak analysis. Clin Microbiol Rev 2017; 30:1015-63.
4. Tagini F, Greub G. Bacterial genome sequencing in clinical microbiology: a pathogen-oriented review. Eur J Clin Microbiol Infect Dis 2017;36:2007-20.</td></tr>
<tr><td>Број часова активне наставе
20</td><td>Теоријска настава:
12</td><td colspan="2">Практична настава:
8</td></tr>
<tr><td colspan="4">Методе извођења наставе
• Теоријска настава
• Практичан рад у лабораторији за бактериологију</td></tr>
<tr><td colspan="4">Оцена знања (максимални број поена 100)</td></tr>
<tr><td>Предиспитне обавезе</td><td>поена</td><td>Завршни испит</td><td>поена</td></tr>
<tr><td>активност у току предавања</td><td>/</td><td>писмени испит</td><td>50</td></tr>
<tr><td>практична настава</td><td>50</td><td>усмени испт</td><td></td></tr>
<tr><td>колоквијум-и</td><td>/</td><td>.....</td><td></td></tr>
<tr><td>семинар-и</td><td>/</td><td></td><td></td></tr>
</table>

Начин провере знања могу бити различити наведено у табели су само неке опције: (писмени испити, усмени испт, презентација пројекта, семинари итд.....
*максимална дужна 2 странице А4 формата